

# 地高辛标记 *Ucp2* 基因 RNA 探针的制备和应用\*

刘志贞<sup>1</sup> 加三三<sup>1,2</sup> 张凯丽<sup>1</sup> 孙雨晴<sup>1</sup> 赵虹<sup>1</sup> 郝宇卉<sup>3</sup> 牛勃<sup>1,4</sup> 李美宁<sup>1\*\*</sup>

(1 山西医科大学生物化学与分子生物学教研室 太原 030001 2 第四军医大学口腔颌面外科国家重点实验室 西安 710032)

(3 忻州职业技术学院医学系 忻州 034000 4 首都儿科研究所生物技术室 北京 100020)

**摘要** 目的:制备用于检测小鼠胚胎早期 *Ucp2* 基因表达的地高辛标记的特异性 RNA 探针。方法:提取小鼠胚胎脑组织总 RNA,设计引物,通过 RT-PCR 方法获取 *Ucp2* 基因片段,将其克隆到 pGEM-T 载体。分别利用 Sp6、T7 和 *Ucp2* 特异性引物,PCR 扩增获得转录模板,通过 Sp6 及 T7 RNA 聚合酶,获得地高辛标记的正义、反义 *Ucp2* RNA 原位杂交探针。检测标记探针的效价后,通过全胚胎原位杂交分析制备探针的特异性和杂交效果。结果:成功获得 *Ucp2* 基因正义、反义探针,反义探针能高效灵敏检测到 *Ucp2* 基因在小鼠胚胎 Ed9.5、Ed10.5 神经系统呈现高表达,而正义探针未能检测到表达信号。结论:成功制备了特异高效的地高辛标记 *Ucp2* RNA 原位杂交探针,为进一步研究 *Ucp2* 基因在小鼠胚胎组织中的表达,尤其在神经组织的定位奠定基础。

**关键词** *Ucp2* RNA 探针 全胚胎原位杂交

**中图分类号** Q78

神经管畸形(neural tube defects, NTDs)是胎儿期中枢神经系统发育异常的先天性出生缺陷,我国部分省份发病率高达 19.9%<sup>[1]</sup>,已经成为导致新生儿先天畸形和残疾的重要原因之一。神经管闭合是精密调控的动态过程,当受到环境或者遗传因素的影响,会引起神经管畸形发生<sup>[2-4]</sup>。近年来研究证明,糖尿病、肥胖及活性氧等因素是神经管畸形发生的潜在因素,而这些因素均与解偶联蛋白 2(uncoupling protein 2, *Ucp2*)有关<sup>[5-6]</sup>,故 *Ucp2* 成为 NTDs 的候选基因。Lupo 等<sup>[7]</sup>和本课题组的研究均显示 *Ucp2* 3'-非翻译区的插入/缺失多态性可能是神经管畸形危险因素<sup>[8]</sup>。但是 *Ucp2* 与神经管畸形的具体关系尚不清楚。进一步研究 *Ucp2* 与 NTDs 发生的关系及探索其中的机制,首要问题是揭示其在神经管发育中的表达及定位。核酸探针已被广泛用于筛选检测基因,地高辛(digoxigenin, DIG)因其灵敏度高、特异性好、无放射性危害等优点近年来成为核酸探针的常用标记物<sup>[9]</sup>,目前还未见 DIG 标记 *Ucp2* RNA 探针的相关报道。本课题利用 RNA 聚

合酶在转录过程中将 DIG-11-dUTP 掺入 RNA 产物制备 DIG 标记的 *Ucp2* RNA 探针,并通过全胚胎原位杂交技术检测小鼠胚胎组织神经管发育中 *Ucp2* mRNA 表达情况确定探针的效果,此探针的成功制备将为后续研究提供检测 *Ucp2* 基因的高效手段。

## 1 材料与方法

### 1.1 材料

1.1.1 动物 C57 小鼠,20~25g 体重,12~15 周,购自山西医科大学动物实验中心。

1.1.2 主要试剂 T7 RNA polymerase、SP6 RNA Polymerase 购自 Promega 公司,DNA RNA labeling Mix (DIG-11-dUTP)购自 Roche 公司,PCR Master Mix 购自 Tiangen 公司。

### 1.2 实验方法

1.2.1 制备 cDNA 模板 收集小鼠胚胎脑组织,Trizol 试剂提取总 RNA,并用 1% 琼脂糖凝胶电泳检测提取总 RNA 的完整性。使用 TaKaRa 公司反转录试剂盒反转录成 cDNA,将反转录的 cDNA 保存在 -20℃。

1.2.2 *Ucp2* 引物设计、反转录 *Ucp2* 探针引物设计:根据小鼠 *Ucp2* 基因的 cDNA 序列(<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/gene/22228>)设计引物,F-UCP2-1:TTGGT

收稿日期:2018-05-17 修回日期:2018-06-13

\* 国家自然科学基金(81741023)、山西省回国留学人员科研基金(2016-051)资助项目。

\*\*通讯作者,电子信箱:lmnsmu@163.com

TTCAAGGCCACAGAT; R-UCP2-1: GAGATTGGTAGGCA GCCATT; F-UCP2-2: CCAACAGCCACTGTGAAGTT; R-UCP2-2: GCTGCTCATAGGTGACAAACA。预计 UCP2 -F2/R2 扩增得到的探针模板长度为 850bp。

巢式 PCR 反应体系如下:

第一轮 PCR 反应: 2 × Mastermix (Transgene) 10 μl、7 μl 超纯水、1 μl F-UCP2-1 和 R-UCP2-1 引物(5 μmol/L) 和 1 μl cDNA。

第二轮 PCR 反应: 2 × Mastermix (Transgene) 10 μl、7 μl 超纯水、1 μl F-UCP2-2 和 R-UCP2-2 引物(5 μmol/L) 和 1 μl 第一轮 PCR 反应的产物。

PCR 反应条件: 95℃ 变性 5min, 95℃ 30s、56℃ 30s、72℃ 1min, 35 个循环, 72℃ 延伸 10min。

1.2.3 PCR 扩增片段克隆至 pGEM-T Easy 载体、并转化、表达 将 PCR 扩增的目标片段与 pGEM-T Easy 载体连接。连接的反应体系如下: 2 × Rapid Ligation Buffer 2.5 μl、T4 连接酶 (TaKaRa) 0.5 μl、pGEM-T Easy 载体 (Promega) 0.5 μl、扩增产物 1.5 μl。室温放置 1h。将 5 μl 连接产物加入到 100 μl 的感受态菌 (Trans5α) 中, 冰浴 30min, 42℃ 水浴 1min, 冰浴 2min, 加入 125 μl LB 培养基, 37℃ 震荡培养 45min。涂板, 37℃ 倒置培养 12 ~ 14h。

1.2.4 阳性转化菌落测序鉴定 每个平板挑取的多个转化菌落首先进行 PCR 鉴定。PCR 反应体系同上。反应条件为 95℃ 2min, 94℃ 30s, 58℃ 30s, 72℃ 1min 共 35 个循环, 72℃ 延伸 10min。琼脂糖凝胶电泳鉴定结果, 阳性转化子进行测序鉴定。

1.2.5 DIG-Ucp2 RNA 探针体外转录制备 制备探针模板: 用质粒小提试剂盒 (Generay) 提取测序正确的阳性菌液质粒, 并将质粒命名为 pGEMT-Ucp2, 插入方向为 SP6 方向。以 pGEMT-Ucp2 作为模板进行 PCR。PCR 反应体系为: 2 × MasterMix (Transgene) 10 μl, 超纯水 7 μl、UCP2 -F2、UCP2-R2 1 μl, T7 (SP6) 引物 1 μl, 5 μmol/L 模板 1 μl。反应条件为 95℃ 变性 2min、94℃ 30s, 58℃ 30s, 72℃ 1min, 循环 35 次, 72℃ 延伸 10min。PCR clean up (Axygen) 试剂盒收集线性化模板。

体外转录制备探针: 使用 RNA 体外转录试剂盒 (MAXIscript SP6/T7, Ambion, USA) 转录上述纯化后的模板。按试剂盒说明书依次加入 10 × Transcription buffer 2 μl、10mmol/L UTP 0.6 μl、10mmol/L CTP 1 μl、10mmol/L ATP 1 μl、10mmol/L GTP 1 μl、10mmol/L DIG-11-UTP 1 μl、T7RNA polymerase mix (SP6/ T7) 2 μl、模

板 DNA 11.4 μl, 混匀、离心, 37℃ 水浴 1h。接着加入 DNase I (Ambion, USA) 1 μl, 37℃ 水浴 15min。然后加入 3 倍体积的无水乙醇 (分析纯)、DEPC 水 30 μl 和无核酸酶的 3mol/L 醋酸钠 (pH5.2) 5 μl, 混匀置于 -80℃ 过夜。次日 4℃ 12 000g 离心 20min, 弃上清, 晾干沉淀, 20 μl 无核酸酶超纯水重悬。

1.2.6 小鼠全胚胎原位杂交 *Ucp2* 在 E9.5、E10.5 的表达 处死妊娠母鼠, 获取 Ed9.5、Ed10.5 小鼠胚胎, 浸于 PBS 配制的 4% 多聚甲醛 (PFA) 中, 4℃ 固定过夜, 按常规标准步骤操作<sup>[11]</sup>。对照组用正义 *Ucp2* 探针, 与实验组同时进行。

## 2 结果与分析

### 2.1 探针模板——重组质粒 pEGMT-Ucp2 鉴定

通过基因工程方法构建重组质粒 pEGMT-Ucp2 作为表达 DIG-Ucp2 RNA 探针的模板, 利用 UCP2-F2 和 UCP2-R2 引物对转化菌提取质粒进行 PCR 鉴定, 结果 M 为 Marker (Trans 2K Plus DNA Marker), 泳道 1 ~ 8 为引物 UCP2-F2 和 UCP2-R2 扩增结果, 从图 1 中可以看出, 第 2、4 转化子为阳性克隆, 在 850bp 附近呈现单一条带, 与预期结果相符。选择 2 泳道的阳性重组子菌液携带的质粒进行测序分析, Blast 比对显示序列正确无误 (序列信息参见 NM\_011671)。

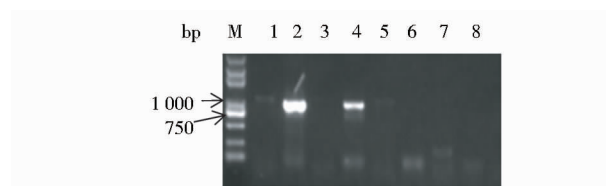


图 1 重组质粒 PCR 鉴定

Fig.1 PCR analysis of recombinant plasmid

M: DNA marker (Trans 2K Plus DNA Marker); 1 ~ 8: The PCR products of UCP2 recombinant plasmid

### 2.2 DIG-Ucp2 RNA 探针制备

利用 SP6、T7 RNA 聚合酶在体外转录合成掺入 DIG-11-dUTP 的单链反义及正义 *Ucp2* RNA 探针, 经纯化后进行琼脂糖凝胶电泳, 结果表明探针的完整性较好 (图 2), 经紫外分光光度计测定 DIG-Ucp2 RNA 探针浓度为 1 488.03 ng/μl ( $OD_{260/280} = 1.98$ )。

### 2.3 DIG-Ucp2 RNA 探针全胚胎原位杂交结果

通过小鼠全胚胎原位杂交检测, 反义探针检测到 *Ucp2* 在 E9.5 天和 E10.5 天的胚胎中主要表达在脑组

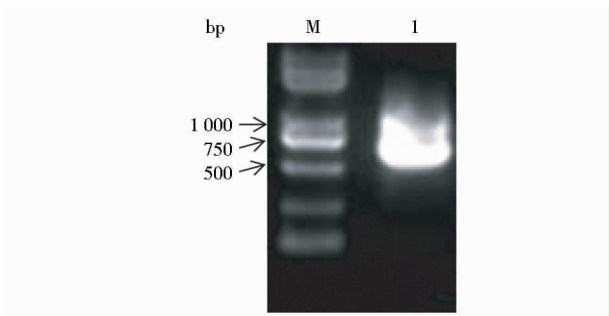


图2 *Ucp2* RNA 探针电泳图

Fig.2 The electrophoretogram of DIG-*Ucp2*

RNA probe

M:DNA marker (Trans 2K Plus DNA Marker); 1: DIG-*Ucp2* RNA probe

织的前脑、后脑、中脑和神经管发育部位,正义探针未能检测出 *Ucp2* mRNA 的表达(图3)。

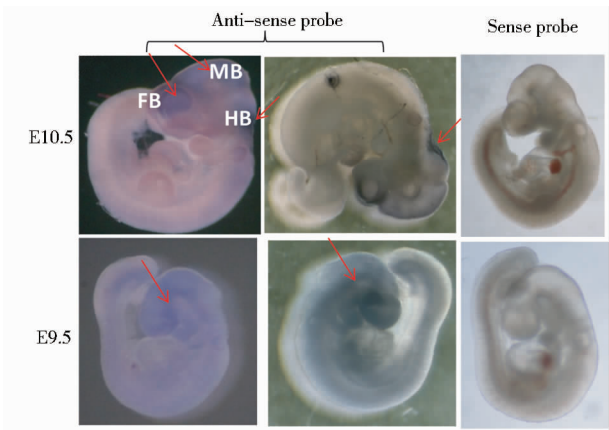


图3 DIG-*Ucp2* RNA 探针全胚胎原位杂交

Fig.3 The results of whole embryo *in situ* hybridization by DIG-*Ucp2* RNA probe

3 讨论

NTDs 是发生在中枢神经系统的严重先天性出生缺陷,阐明其发生发展的分子机制,需要首先明确相关基因在神经管闭合过程中的表达情况,因此原位杂交技术在 NTDs 中显得尤为重要。全胚胎原位杂交技术不同于一般在载片上对细胞或组织切片进行探针杂交检测的原位杂交,而是对完整胚胎进行杂交检测,从而在整体上观察探针的结合部位,因此核酸探针具有更明显的优势<sup>[11]</sup>。核酸探针最早使用放射性同位素进行标记,虽具有敏感性高、特异性好、分辨力强等优点,但是制作成本高、半衰期短,而且有放射性危害,需要专

门的实验室和相应的防护措施,限制了其应用。生物素标记探针具有高灵敏度,但是由于生物样品中常含有内源性生物素及生物素结合蛋白,检测时会发生非特异性结合,影响实验效果,在检测生物样品中应用受限。地高辛标记探针检测法因具备特异性好、敏感度高、无放射性危害、操作简便、结果稳定等优点,近年来得到广泛应用<sup>[12]</sup>。

UCP2 属于线粒体解偶联蛋白家族,是位于线粒体内膜上的一类载体蛋白,参与能量代谢、活性氧产生、胰岛素分泌调节和脂肪酸代谢等功能活动<sup>[13-14]</sup>。本课题组与国外同行对人群中 *Ucp2* 3'-非翻译区插入/缺失多态性与 NTDs 的关系进行了一些研究,但是 *Ucp2* 在神经管畸形发生中的作用报道不多。为此本研究以小鼠胚胎为研究对象,设计制备了 DIG 标记的 *Ucp2* RNA 探针。根据 *Ucp2* mRNA 全长核苷酸序列设计引物,利用反转录 PCR 获得 *Ucp2* cDNA 片段,通过基因工程成功构建体外转录合成 *Ucp2* RNA 探针的模板——重组质粒 pEGMT-*Ucp2*,经 PCR 和测序鉴定表明 *Ucp2* 序列正确。然后利用体外转录体系,通过 SP6、T7 RNA 聚合酶转录生成 DIG-11-dUTP 掺入的正义、反义 DIG-*Ucp2* RNA 探针。本研究所制备的反义探针具有特异性高、信号强等特点,能高效检测神经管发育的关键时期 E9.5d、E10.5d 的 *Ucp2* 基因表达情况,正义探针无结合,可作为阴性对照,此结果与相关文献报道一致<sup>[15]</sup>。

本研究利用地高辛标记核酸探针,成功制备了 DIG-*Ucp2* RNA 探针,有效检测胚胎神经管发育关键期 *Ucp2* 在前脑、后脑、间脑及神经管部位的高表达,为进一步研究 *Ucp2* 在 NTDs 中的作用机制提供了有力的手段和工具。

参考文献

[1] Zaganjor I, Sekkarie A, Tsang B L, et al. Describing the prevalence of neural tube defects worldwide: a systematic literature review. PLoS One, 2016, 11(4): e0151586.

[2] Tissir F, Goffinet A M. Shaping the nervous system: role of the core planar cell polarity genes. Nature Reviews Neuroscience, 2013, 14(8): 525-535.

[3] Pani L, Horal M, Loeken M R. Rescue of neural tube defects in Pax-3-deficient embryos by p53 loss of function: implications for Pax-3-dependent development and tumorigenesis. Genes & Development, 2002, 16(6): 676-680.

[4] Shang Y, Zhao H, Niu B, et al. Correlation of polymorphism of *MTHFR*s and *RFC-1* genes with neural tube defects in China. Birth Defects Research Part A: Clinical and Molecular

- Teratology, 2008, 82(1):3-7.
- [5] Huang H Y, Chen H L, Feng L P. Maternal obesity and the risk of neural tube defects in offspring: A meta-analysis. Obesity Research & Clinical Practice, 2017, 11(2): 188-197.
- [6] Yang W, Carmichael S L, Tinker S C, et al. Association between weight gain during pregnancy and neural tube defects and gastroschisis in offspring. Birth Defects Research Part A: Clinical and Molecular Teratology, 2012, 94(12):1019-1025.
- [7] Lupo P J, Canfield M A, Chapa C, et al. Diabetes and obesity-related genes and the risk of neural tube defects in the national birth defects prevention study. Am J Epidemiol. 2012, 176(12): 1101-1109.
- [8] Liu Z, Xie J, Luo T, et al. An epidemiologic study of mitochondrial membrane transporter protein gene polymorphism and risk factors for neural tube defects in Shanxi, China. Neural Regeneration Research, 2012, 7(6):463-469.
- [9] 孙小慧, 刘晓凡, 赵雅静, 等. 地高辛标记 DNA 探针杂交法检测 Vero 细胞 DNA 残留量的适用性验证及应用. 微生物学免疫学进展, 2016, 44(2):40-44.
- Sun X H, Liu X F, Zhao Y J, et al. Applicability validation and application of digoxigenin-labeled DNA probe in detection of residual DNA by hybridization in Vero cell. Progress in Microbiology and Immunology, 2016, 44(2):40-44.
- [10] Pryor S E, Massa V, Savery D, et al. Convergent extension analysis in mouse whole embryo culture. Methods Mol Biol, 2012, 83(9):133-146.
- [11] 温宗华, 张艳, 吴自勃, 等. 地高辛标记斑马鱼 *cd99l2* 基因 RNA 探针的制备. 南方医科大学学报, 2010, 30(5):969-972.
- Wen Z H, Zhang Y, Wu Z Q, et al. Preparation of RNA probe for *cd99l2* gene of zebrafish labeled with digoxigenin-UTP. Journal of Southern Medical University, 2010, 30(5):969-972.
- [12] 陶春爱, 邱文英, 李刚, 等. 纳米金标记核酸探针检测小反刍兽疫病毒核酸的研究. 中国生物工程杂志, 2012, 32(7):89-94.
- Tao C A, Qiu W Y, Li G, et al. Study on peste des petits ruminants virus nucleic acid detection based on gold-nanoparticle conjugated probe. China Biotechnology, 2012, 32(7):89-94.
- [13] Lapp D W, Zhang S S, Barnstable C J. Stat3 mediates LIF-induced protection of astrocytes against toxic ROS by upregulating the UPC2 mRNA pool. Glia, 2014, 62(2): 159-170.
- [14] Normoyle K P, Kim M, Farahvar A, et al. The emerging neuroprotective role of mitochondrial uncoupling protein-2 in traumatic brain injury. Transl Neurosci, 2015, 6(1):179-186.
- [15] 蒋骄云, 田文斐, 冯龙, 等. 地高辛标记的黄鳝 F64 基因 cRNA 探针的制备及其应用. 生物技术通报, 2016, 32(3):137-141.
- Jiang J Y, Tian W F, Feng L, et al. Preparation and application of cRNA probe labeled with digoxigenin for gene F64 of rice field eel. Biotechnology Bulletin, 2016, 32(3):137-141.

## The Preparation and Application of the *Ucp2* Gene RNA Probe Labeled by Digoxin

LIU Zhi-zhen<sup>1</sup> JIA San-san<sup>1,2</sup> ZHANG Kai-li<sup>1</sup> SUN Yu-qing<sup>1</sup> ZHAO Hong<sup>1</sup>  
HAO Yu-hui<sup>3</sup> NIU Bo<sup>1,4</sup> LI Mei-ning<sup>1</sup>

(1 Department of Biochemistry & Molecular Biology, Shanxi Medical University, Taiyuan 030001, China)

(2 State Key Laboratory of Oral & Maxillofacial Surgery, The Fourth Military Medical University, Xi'an 710032, China)

(3 Department of Preclinical Medicine, Xinzhou Vocational and Technical College, Xinzhou 034000, China)

(4 Laboratory of Biotechnology, Capital Institute of Pediatrics, Beijing 100020, China)

**Abstract** Objective: To prepare the *Ucp2* gene RNA probe labeled by digoxin, and was used to detect the early *Ucp2* gene spatiotemporal expression in mouse embryos. Methods: The primers were designed and the total RNA was extracted from fetal mice nervous tissue. The *Ucp2* gene fragment was obtained by RT-PCR and cloned into the pGEM-T vector. Then transcription template was obtained using Sp6, T7 and *Ucp2* primers by PCR. Using Sp6 and T7 RNA polymerase, the digoxigenin-labeled antisense and sense probes were synthesized and confirmed by whole embryo *in situ* hybridization. Results: The plasmid pGEMT-UCP2 was constructed. The digoxigenin-labeled antisense *Ucp2* probe was effectively detected in mice Ed9.5 and Ed10.5, and the expression was not detected by the sense probe. Conclusion: The antisense *Ucp2* probe can be used specifically and sensitively for study *in situ* hybridization and lay the foundation for further research of *Ucp2* expression in the tissue of mouse embryo, especially in the nerve tissue.

**Key words** *Ucp2* RNA probe Whole embryo *in situ* hybridization